

# 多组学联合网络药理学技术解析疾病及药物机制 实践培训班

时间：2024年1月13-14日

线上直播课程、赠送回放视频、长期答疑

报名方式请拉至文末

## 【课程背景】

近年来，随着新一代测序技术、高分辨质谱技术、多组学整合分析方法及数据库的发展，组学技术正从传统的单一组学向多组学技术发展。转录组学、代谢组学、蛋白组学等多角度系统组学在疾病和药物机制研究中发挥着重要作用，组学联合网络药理学成为目前研究的热点。本课程将针对组学得到的数据如何进行进一步挖掘，如何构建网络，如何进行网络分析挖掘出疾病及药物关键机制等问题展开。网络药理学能够通过计算机模拟算法、运用组学、高通量筛选及网络分析等技术揭露药物-靶点-疾病之间复杂的网络信号关系，已经成为揭示生物系统复杂功能和行为的有力工具。课程全部进行上机实操，解决大家实际工作中的瓶颈问题，将在线上举办“多组学联合网络药理学技术解析疾病及药物机制”专题培训班，具体通知如下：

## 【课程特点】

实操干货，实际一线工作者的经验分享，在较短时间全面了解组学技术与网络药理学技术相结合的概念，熟悉相关操作流程，明确流程中的关键点和易出错点，避免触碰雷区或走入误区，提供详实的方法资料，借助较流行的在线数据库及Cytoscape软件（无需编程），对网络药理学进行系统性学习（数据获取，网络构建，通路分析）及个性化问题解决，同时结合多组学数据进行整合分析，实现多技术交叉和多数据融合的高级数据解析思路和方案。

## 【授课老师】

本次课程由工作在科研一线的老师（讲师）担任主讲，在国内外学术期刊发表研究论文70篇，其中SCI收录30篇。近几年主持/参与国家自然科学基金和省自然科学基金多项。从事多组学和网络药理学技术研究近十年，熟练相关技术流程和操作方法，研究方向为中药网络药理学及多组学研究。

## 【课程安排】

<p>第一天 上午 9:00-12:00</p>	<p>一、网络药理学研究技术与实践</p>	<ol style="list-style-type: none"><li>1. 网络药理学研究思路和流程</li><li>2. 网络药理学瓶颈问题与策略研究</li><li>3. 网络药理学数据分析与实操<ol style="list-style-type: none"><li>3.1 化学成分的获取与筛选 (Pubchem、TCMSP数据库、TCMID数据库、Swiss ADME数据库等)</li><li>3.2 中药化学成分靶点获取 (TCMSP数据库、BATMAN-TCM数据库、Similarity Ensemble Approach (SEA)数据库、Swiss Target Prediction数据库、HIT2.0、HERB等)</li><li>3.3 疾病靶点富集数据库 (DisGeNET数据库、GeneCards数据库、OMIM数据库等)</li><li>3.4 化合物与疾病靶点映射 (韦恩图)</li><li>3.5 PPI网络分析 (PPI网络构建、网络拓扑特征的计算、网络拓扑指标的含义、重要节点识别)</li><li>3.6 富集分析 (DAVID数据库、Metascape 数据库、KOBAS数据库)</li><li>3.7 通路可视化分析工具 (气泡图、柱状图)</li><li>3.8 分子对接</li></ol></li></ol>
<p>第一天 下午 14:00-17:00</p>	<p>二、转录组学/蛋白组学联合网络药理学技术与实践</p>	<ol style="list-style-type: none"><li>4. 转录组学/蛋白组学联合网络药理学思路</li><li>5. 基于GEO数据库的差异基因分析</li><li>6. 转录组学/蛋白组学联合网络药理学网络关联分析</li><li>7. 转录组学/蛋白组学联合网络药理学功能关联分析</li><li>8. 网络图构建—Cytoscape(数据导入、节点关系的建立、节点属性计算、调整网络样式、筛选及过滤、网络图导出)</li><li>9. 转录组学/蛋白组学联合网络药理学经典文献解读</li></ol>
<p>第二天 上午 9:00-12:00</p>	<p>三、代谢组学联合网络药理学技术与实践</p>	<ol style="list-style-type: none"><li>10. 代谢组学与网络药理学结合研究思路</li><li>11. 代谢组学与网络药理学结合分析技术<ol style="list-style-type: none"><li>11.1 代谢组学与网络药理学数据的获取 (HMDB数据库、成分靶点获取、疾病靶点富集数据库、代谢专属数据库)</li><li>11.2 代谢组学功能分析 (富集分析、通路分析等)</li><li>11.3 代谢小分子网络关联分析 (Metscape软件、OmicsNet数据库)</li><li>11.4 代谢物-代谢物网络的构建与分析</li><li>11.5代谢组学与网络药理学功能层次关联分析</li></ol></li><li>12. 代谢组学联合网络药理学经典文献解读</li></ol>

<p>第二天 下午 14:00-17:00</p>	<p>四、多组学联合网络药理学技术与实践</p>	<p>13. 多组学联合网络药理学整合分析思路与技术介绍 14. 多组学联合网络药理学功能层次关联分析 (OmicsNet 数据库) 15. 多组学联合网络药理学相关性分析 16. 基于Connectivity Map进行药物重定位 17. 多组学联合网络药理学经典文献解读</p>
-----------------------------------	--------------------------	---

**会议时间：**2024 年 1 月 13-14 日

**会议地点：**腾讯网络会议

**主办单位：**北京华斯泰生物医学科技有限公司、合肥华斯泰生物医学科技有限公司

**收费标准：**会议费 3000 元/人，同一单位 3 人以上参会优惠至 2800 元/人。此次课程为线上直播教学模式，开课前统一提供配套电子版培训资料。参加培训的学员课后可通过微信群继续和授课讲师交流，长期获得指导机会。

课程结束后统一快递纸质版盖章通知和正式发票，如提前需要请联系会务组。

**缴费方式：**

本次会议费委托合肥华斯泰生物医学科技有限公司收取并统一提供会务发票。

1. 网上汇款或银行转账

户 名：合肥华斯泰生物医学科技有限公司

开户行：中国银行合肥临泉路支行

帐 号：181246448304

2. 支付宝账号

名字：合肥华斯泰生物医学科技有限公司

账号：kf@Huasitai.com

注：汇款时请务必注明“网络药理学”和学员姓名，汇款后将回单电子邮件发给我们，以便我们确认。

**报名方式：**

请填写报名表通过电子邮件发送至: [info@huasitai.com](mailto:info@huasitai.com)，或在线报名([www.Huasitai.com](http://www.Huasitai.com))

我们收到您的报名信息后将及时与您联系确认。

**会务咨询：**

联系人：章老师

电 话：13121195178（微信同号）

E-mail: [info@huasitai.com](mailto:info@huasitai.com)

网 站: [www.huasitai.com](http://www.huasitai.com)

扫码浏览会议详情



微信扫码在线报名



# 多组学联合网络药理学技术解析疾病及药物机制 实践培训班

## 报名回执表

单位名称					
单位地址				邮编	
姓名	性别	职务/职称	从事专业	手机	E-mail
发票抬头			纳税人识别号		
发票内容	<input type="checkbox"/> 会议费 <input type="checkbox"/> 会务费 <input type="checkbox"/> 培训费				
备注					

1. 确定参加后，请将报名表发至[info@huasitai.com](mailto:info@huasitai.com)，邮件发出后两日内若无回复，请电话联系确认。
2. 联系人:章老师 电话:13121195178