

肠道菌群机制研究及国自然课题设计专题会议

如何设计测序方案、测序后的数据如何应用和延伸

时间：2024年05月25-26日

线上直播，赠送回放视频，长期答疑群

报名方式请下拉至文末

学习背景介绍

“肠道菌群”近年来“CNS”级别文章频发，同时也是国家自然科学基金资助的重点方向之一，其适用的研究领域也迅速扩展，从经典的中医、中药领域，到代谢性疾病、神经系统疾病、心脑血管疾病和免疫相关疾病，再到近年新的热点——“肠道菌群与肿瘤”，发展势头强劲。该方向的一大优点是可以通过高通量测序很快上手，实现“短、平、快”的发表文章，积攒研究基础。然而，我们在研究中面对的最大痛点是测序的文章发表后，后续的机制研究该怎么延伸，这一直是肠道菌群相关研究的重要难点。这次的会议会详细给大家讲解“如何更高效的进行多组学测序搭配”和“测序之后的机制研究实验该如何开展”，在重点回答上述两个问题的基础上，对国自然课题的设计及研究进行梳理，搭建2024年国自然项目书的整体思路框架。

学习目的与预期

1. 熟悉肠道菌与代谢研究的国内外动态，热点与趋势；
2. 了解肠道研究课题设计思路与临床应用方法；
3. 掌握高水平肠道菌课题研究思路与设计方法；
4. 掌握基于16S rDNA测序的肠道菌数据分析报告内涵及基本的数据统计；
5. 熟悉肠道菌群研究与其他研究思路结合的原则及方法；
6. 掌握肠道菌研究样本收集、保管、储存及预处理方法及关键注意事项；
7. 结合已有的工作基础，搭建2024年国自然项目书的整体思路框架

讲师介绍

刘博士，长期专注于肠道微生物菌群变化与疾病相关性等方面研究，经验丰富、课程内容为原创设计，对此领域的科研思路以及最新研究动态熟悉掌握。从事相关科研课题设计工作多年，发表论文20余篇，其中10分以上2篇。多次应邀为大学、医院、科研单位进行相关主题讲座指导，具有丰富的课题设计和执行经验。并多次受邀在国际大会上发言，对微生物多样性、宏基因组、宏转录组、代谢组学等相关方向有深刻了解，且具有丰富的讲课经验表达能力，通过两天的课程一定能让您对肠道微生物方面的课题设计及研究执行有很好的理解。

会议安排

日期	时间	内容概要	涉及知识要点（或举例）
第一天	09:00-10:10	基本概念及意义	*肠道菌群研究现状及意义 *样本收集注意事项 *粪菌移植操作要点及注意事项 *无菌鼠构建及使用指南
	10:20-11:30	16s/ITS 测序及报告解读	*16s 测序原理及应用 *16s 测序数据分析及报告解读
	14:00-15:10	宏基因组测序及报告解读	*宏基因组测序原理及应用 *宏基因组测序数据分析及报告解读 *16s 和宏基因组的异同及方案设计组合
	15:20-16:30	研究方案设计的思路介	*方案设计常见技术组合及示例； *方案设计常见研究思路介绍及示例；
第二天	09:00-10:10	肠道菌群多组学整合研究思路	*宏转录组、宏蛋白组、宏代谢组及宿主高通量测序介绍； *多组学整合应用及示例
	10:20-11:30	肠道菌群研究中代谢组学的重要意义	*代谢组学的概念及特征 *代谢组学与肠道菌群的常见结合方式及数据分析逻辑
	14:00-15:10	肠道菌群标书撰写思路归纳及分享	*肠道菌群相关标书归纳分析 *标书撰写思路分享及机制探讨
	15:20-16:30	高分文献及标书实例展示及讨论、答疑	

会议相关

开班时间：2024年05月25-26日

开班地点：线上直播

主办方：华斯泰科研培训中心

承办方：华斯泰生物医学科技有限公司

报名费：3200/人（可开具发票，费用包含电子版材料）

优惠政策：

- 1、提前报名及转账的，可以提前拿到学习材料
- 2、两人成团报名，每人减100
- 3、三人成团报名，每人减200
- 4、参与培训的老师，课程结束后可以获得全套视频

报名咨询：

联系人：李老师

手机：13366403928(微信同号)

E-mail: 13366403928@163.com

报名方式：

请扫右侧二维码在线报名。在线报名成功后，将有工作人员马上与您联系沟通。

扫码在线报名

